

Replacement Sheet

SEQID No.: 14
Intron 7 Base No.



53.
113.
173.
233.
293.
353.
413.
473.
533.
593.
653.
713.
773.
833.
893.
953.
1013.
1073.
1133.
1193.
1253.
1313.
1373.
1433.
1493.
1553.
1613.
1673.
1733.
1793.
1853.
1913.
1973.
2033.
2093.
2153.
2213.
2273.
2333.
2393.
2453.
2513.
2573.
2633.
2693.
2753.
2813.
2873.
2933.
2993.
3053.
3113.
3173.
3233.
3293.
3353.
3413.
3473.
3533.
3593.

TTGATAATGATGATGTTCTAAAATTGCCTTTCTAGGTTCTATCCAGGTTATCCCTCAG
CTTTAAGCTTAAGAGAAACATTGGCTACTTTATCTGCAAAACATACATGCTTCCATCCT
GATTACCATCTCTCTGGGTCTCTCTCTGGATTAAATTACGATGCTTCTGCTGCAAGGGT
GGCATTAGGTAGGCCATTTTATTACTGCTTGTGGATTTTGACTCTGTGTGTACATTTCTG
TGTTCGCATGCACGCGTTTTCTTATCCTGAAATTGTGGTGATGACGCAACTGAACCT
CTCACACTGTAAGAGTTTCGCTATGAGACTTTGGGTGATCTGATTGAGCATTAAATCAAT
TAAACACGAAGTAAAGCTCTTTATGTCAGTATTAGTTAAACCGTATATCTGTTGATAATG
AGATTAGTCCCATCAGTTTGATATTTTTATTGAAACATATTTATATAGTATTGCTTGCA
TAATTGTTCAATTTGTATCTGTGCTTCTTTACCTAAGAAGACCTCCCTTCTACGTTTTTT
TCTCCATGAAAGACAAGAAGATGTTGTGTGTAGCAAAATGGATAAGCAGAAAGAATTCTAA
AGTCTTGTAAACATTTTCAGAGTAGCATGACTAAGGCAGGAGACAACAAAGTAAAGATATT
GAGAAGTAATCTGTGGCATCTCTCATCTTATGCTGTTTTTTTCTAACAACACAAAAGGA
GAATAAATTACATTTTCATGAACATTTTGTATTAACTTCAGATAAAGTAAATTTATGGC
CTTTTACACGATCTTGATTATTATGGATTCTGACTATTCCCTTTAAAATGTTGAATTGTT
CACTTTTACCATTAGATCTCAATTTCAATCATTACTTTCTTAGAAGAGCCACTCATTTATT
ATTCAACAAGTAATTGTTAAATACCTAATATATGCTAATTGTACTAAGCACTGGAGATAG
AGCAGTCTTCTGAAAGTTATATCTAGCAGTAAAGATATACAATAAATTTAATAACCACA
TAAATTATACAATGTGGTAAATCTATAGAGGGATATAAGCAAGGGGGCATGGGTTTGCT
AGAAGTTCAGTTTGAATAAATTAGGGCCGACTTCACTCAGAAGTTGTCTGTTGAAGATTAAG
ACTTGAAGATTGAGAGCAATGTGGATACCTGGGTGATAATATCCAGATGACTGCAAGG
CCCTGGGTAGGAACAAACCAACAGTGTGACGAGGAGGCTAATGAGCCAAAGTGAGTTTCAG
GGGAAGTAGCAAGATAATGTTAGGGAAAGAGGCTTAAAGGATCAAAAAGGGCTATTAC
AAAGGATGTTAGGCCACGCAAAAGGCTTGTCTTTTATTGTAATGAAATAGCCATTGAC
TGAGCATAAAGTGCCATGATTTGATTTCTGTTTTAAAGGGATCACTTCGGCTACTGGGT
TAAATTAATTAATTATGTGGCTCAAGGATGGGAGGAGAGAAATGACCTCTCAGGCTG
AGTCAAGCACCTGTGATATATACACTTGCAGTACCATAGACCTCCCTGTGTGTAGACTA
ACCACAGTTATACTTTTGTCTTTCTAGTGGTGTGATGTCCTTTTCCCTTCAGCAATGA
AAGATCCATGGAGGAAAGGTCCATATCTAGTTTTATATCTGCAGTGTCTGTCATGGGAA
TGGTGTCTCAGTAAACATTTGCTGAATGAAAGAAGGAATAAATTTGCAAAATATCCATTT
TTCCAAAGTTGAAACATGTCTTTTTTGTATCTGATTACAGGAACAATAAATATTCATTAA
CTTTTTTAGAAGACATTTTTAAAATGCTTTTATGTGAGCAATTTATTACTAGTTTCAGAA
TACTTTAAATGAGATTTTAGATAAGTAGTAAATCAGCAATGTCTGATTTTATTATATACG
TATGATACAGGATCATCCGTAGTTGAAATGATGAAGAGAAAATTGAAACTGGAATAATGTC
TCAAAATGAOAGCTATAAAGAGGACACGAGAAATGTAAGATACCTGTATCTAAGCAAGA
CCAAGGTTTTATGGGCGTGCTCAGAATCAAATGCTCAGATTTATTTTTTATTCTGTAGC
TGTTTCTTGGTGGAGTATAAAAACAAAATAGAACTATGACATTATTACTACTGAGATAA
AATTAAATCAGAAAACCTGTGTCCCCCAAAATCATAGGAATGAAATTTAACTTCAGGAT
GCGTTATTGGATAGTGTTTAAGGGCTGGATTCTGAGTCAGAAAGATTCTCATTTCAAT
GGCAACTCTAATACTTTCCATCTGTGTGATCTTGACCTCTGAGCTTTGTCTATTTTCACA
TCATATTTTGTCTACAAAGCTGGACTTTATCATATTGAGGACCTTGGACTTTGAGTGCAT
TTACCTTCCGATTACAGCTTAGAGGAAACTACTTCCACTGTCAAGAGATACCAACTCA
ACAGGACAAACAATTACAGCCTGACCCAGTGTACATTTTCCATAAGCAGTCTAGAAATG
CATCTGTGTTATTTATCTAGGCATTATATGCCTAATTGTCCGATCCATATACATGAGGGC
TATGATTCTGTCTTCTGTACCTCCACTCCAAATTCAGATGTTTTATAATCATTTA
TTGATATTGCCTGTATAATGTATTCTTTAATTTGAGTACCTTGTCTGTTATTTAATTGA
CTTCACTTCCATCATTTAGTTGATTACTCTGAAAACCTCTTAAGTGGCATTCTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTGTAGACGGAGTCTTGTGTGTGGCCAGGCGGAGTGCAGTGGCG
GGATCTCGGCTCACTGCAAGCTCCGCTCCCGGTTACGCCATTCTCTGCTCAGCCT
CCCGAGTAGCTGGGACTACAGGCGCCCGCATCAGCCCGGCTAATTTTTTGTATTTTT
AGTAGAGACAGGGTTTACCCTGTTAGCCAGGATGTTCTGATCTCCTGACCTCGTATC
CACCCGCTCGGCTCCCAAAGTGTGGGATTACAAGCGTGAGCCACCGCGCCCGGCCAA
CTGGCATTCTTTACTCTGCTGCTGCTTCTCCCATCATCCACACTGTCACCAAGT
GATTGTTCTAAATGCAAAATGCCCCCTTGCTTGAAGCTGGCCCTGCTCCACATTTGCCTT
TAATTTAAGTTCAAACCTCCCATAGGCTCTCTGATGGCCCTTAACCTCCAGTCTTC
TCAGGATTCTTCCATCTGTCTTGAATGTACCCACAATGATTTTTCCGAGACCATGGT
AATGGACTGTGATCTCTCCCAAAATCCAACTTGATATAAAAGCTCTCTCCACCAAGCAG
TCCCCATAAGTCAAAAATGACTTTTGACCCCCAGTTCTGGGTGCTGGGTGACTTTTCAC
TCATTTTTAGAAATCAGCTCAAAAGTCTTATTTCCTAACCTCATCCCTGGCAGATCAG
AAAGTTGACCTAGAGTCTCTCCATATTCTGAACCTTTACCTTACACATGTGCCATCAT
AGCATTTAATTCAGGTTTTAACCCCGCACTAGATATATACTATAAATACAAAATTTAA
TTAAAGAAGGCATCAACGTTTCAGTGATCACTGTAAGCTAATTTATACCTATATCCATT
CCCTATCCTAGGGCTGGCATGCAATAGTAAAGGCCAAATAAATAGATTGTGGCATATAG
AATGAGAAAATGAATATAGATCACCTTTCCAGCTATTAGAAAGAGAAAGAGATAGGA
ACATTATTACTCTAACTCTCCATTTTTTTTTCAGGAATCACAATGTTCTCTCACAATGACC
ACAATCAACACCCACCTCCGGGAAACTCTCCCTAAAATCCCTATGTGAGGCGCATTGAC
ATGTACCTGATGGGTGCTTTGTCTTCTGTTTTCATGGCCCTTCTGGAATATGCTAGTC
AACTACATCTTCTTGGGAGGGGGCCCAACGCCAAAAGAAAGCAGCTGAGAAGGCTGCC
AGTGCCAACAATGAGAAGATGCGCTGGATGTCAACAAGGTAAATTCAGAGGGCAAGCCC
TCCTTGCTTCTTAACTCATGGAAGAATGCTAGCAATACAGGTTGATGACCTTGTGTGAGC
AAATGAGGAAACCAAGCCAGGGAAGAGAATGGGTAATTTTCCCAAGCACACAACAA
TTAATGATGGAAGCACAATTAGGGACCAACTCATGACACAAGATTGGATGCCCTTTCC
ATTAACAAGAGGAGTGACCAACATGAGAAGACCTTTATGATGCTTTCTCATATATTGAG
TATAGTACCTATAATTTATGATCTTTTAAATTTATTTCAACTAATTTATTTAAAAAG
GAAATTTAATGTTGCTTCAGTCAGTATTACTTGTGGACAATAGCTTTACAA

Fig 1a

Replacement Sheet

SEQID No.: 15
Intron 7 Base No.



53.
113.
173.
233.
293.
353.
413.
473.
533.
593.
653.
713.
773.
833.
893.
953.
1013.
1073.
1133.
1193.
1253.
1313.
1373.
1433.
1493.
1553.
1613.
1673.
1733.
1793.
1853.
1913.
1973.
2033.
2093.
2153.
2213.
2273.
2333.
2393.
2453.
2513.
2573.
2633.
2693.
2753.
2813.
2873.
2933.
2993.
3053.
3113.
3173.
3233.
3293.
3353.
3413.
3473.
3533.
3593.

TTGATAATGATGATGTTCTAAAATTGCCTTTCTAGGTTCTATCCCAGGTTATCCCTCAG
CTTTAAGCTTAAGAGAAACATTTGGCTACTTTATCTGCAAAACATACATGCCTTCCATCCT
GATTACCATCCTCTCCTGGGTCTCCTTCTGGATTAAATTACGATGCTTCAGCTGCAAGGGT
GGCATTAGGTAGGCCATTTTATTACGCTTGTGGATTTTGACTCTGTGTGATACATTTCTG
TGTTGCGATGCACGCGTTTTCTTATCCTGAAATTTGTGGTGCATGACGCACTGAACCT
CTCACACTGTAAGAGTTTCGCTATGAGACTTTGGGTGATCTGATTGAGCATTTGAATCAAT
TAAACACGAAGTAAAGCTCTTTTCATGTCAGTATTAGTTAACCGTATATCTGTTGATAATG
AGATTAGTCCCATCAGTTTGATATTTTATGAAACATATTTTCATATAGTATTGCTTGCA
TAATTGTTCAATTTGTATCTGTGCTTCTTTACCTAAGAAGACCTCCCTTCTACGTTTTTT
TCTCCATGAAAGACAAGAAGATGTTGTGTGTAGCAAATGGATAAGCAGAAAGAAATTCATA
AGTCTTGTTAACATTTTCAGAGTAGCATGACTAAGGCAGGAGACAACAAAGTAAGAATATT
GAGAAAGTAATCTGTGGCATCTCTCATCTTATGCTGTTTTTTTCTAACAAACACAAAGGA
GAATAAAATACATTTTCATGAACATTTTGTATTAACTTCAGATAAAGTAAATTTATGGC
CTTTTACAGCATCTTGATTATTATGAGATTCTGACTATTCCTTTAAATGTTGAATTTGTT
CACTTTTACCATTAGATCTCAATTCAATCATTACTTTCTTAGAAGAGCCACTCATTTATT
ATTCAACAAGTAATTTGTAAATACCTAATATATGCTAATTGTAAGCACTGGAGATAG
AGCAGTCTTCTGAAAGTTATATCTAGCAGTAAAGATATACAATAAATTTAATAACCACA
TAAATTATACAATGTGGTAAATCTATAGAGGGATATAAAGCAAGGGGGCATGGTTCTGCT
AGAAGTTCAAGTTAGATAAATTAGGGCCGACTTCACTCAGAAGTTGTCTATTGGAACATAAG
ACTTGAAGATTGAGAGCAATGTGGATACCTGGGTGATAAATTCAGATGACTGCAAGG
CCCTGGGTAGGAACAAACCAACAGTGTGAGGAGGCTAATGAGGCCAAGTGAGTTTCAG
GGGAAGTAGCAAGATAATGTTAGGAAAGAGGCTTAAAGGATCACAAGGGCTATTAC
AAAGGGATGGTAGGCCACGACAAAGGCTTTGCTTTTATTTGAATGAAATAGCCATTGAC
TGAGCATAAAAGTGGCATGATTTGATTTCTGTTTTAAAGGGATCACTTCGGCTACTGGGT
TAAATTTAAATTTATGTGGCTCAAGGATGGGAGGAAGGAGAAAGTACCTCTCAGGCTG
AGTCAAGCACCTGTGATATATACACTTGCAGTACCATAGACCTCCCTGTGTGTAGACTA
ACCACAGTTATAACTTTTGTCTTTCTAGTGTGTGATGCTCTTTTCCCTTCAGCAATGA
AAGATCCATGGAGGAAAGGTCCATATCTAGTTTTATCTGCAGTGTCTTGCATGGGGAA
TGGTGTCTCAGTAAACATTTGCTGAATGAAAGAAGGAATAAATTTGCAAAATATCCCATTT
TTCCAAAGTTGAAACATGCTTTTTTGTATCGATTACAGGAACAATAAATAATTCATTAA
CTTTTTAGAAAGCATTTTAAATGCTTTTATGTGAGCAATTTATTACTAGTTTTCAGAAA
TACTTTAAATGAGATTAGATAAGTAGTAAATCAGCAATGTGAGTTTTATTATATACG
TATGATACAGGATCATCCGTAGTTGAAATGATGAAGAGAAATTTGAACTGGAAATGTC
TCAAATGACGGCTATAAAGAGGACACGAGAAATGTAAGTACCTGTATCTAAAGCAAGA
CCAAGTTTTATGGGGCTGCTCAGAATCAAATGCTCAGATTATTTTTTTTCTGTAGC
TGTTTCTTGGTGGAGTATAAAACAAATAGAACTATGACATTATTACTACTGAGATAA
AATTTAAATCAGAAACTGTGTCCCCCAAAATCATAGGAATGAAATTTAACTTTCAGGAT
GCGTTATTGGATAGTGTTTAAGGGCTGGATTCTGAGTCAGAAAGATTCTCATTTCCAAT
GGCAACTCTACAACCTTCCATCTGTGTGATCTTGACCTCTGAGCTTGTCTTATTTTCA
TCACTATTTTGTCTACAAAGCTGGACTTTATCATATTCAGGACCTTGGACTTTCAGTGCAT
TTACCTTCCGATTACAGCTTAGAGGGAAACTACTTCCCACTGTCAAGAGATACCAACTCA
ACAGGACAAACAATTACAGCCTGACCCAGTGTACATTTTCCATAAGCAGTCCTAGAAATG
CATCTGTGTTATTTATCTAGGCATTATATGCTAATTTGTCGATCCATATACATAGGGC
TATGATTCTGCTTCTCTGTTACCTCCACTCCAAATTTCCAGATGTTTATAATCATTTA
TTGATATTGCCGTGATATAATGTATTCTTTAATTTTCAGTACCCTTGCTGTTATTTAATTGA
CTTCACTTCCATCATTCAGTTGGATTACTCTGAAACCTCTTAAGTGGCATTTCTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTGGACGGAGTCTTGTGTGTGGCCAGGCGGGAGTGCAGTGGCG
GGATCTCGGCTCACTGCAAGCTCCGCTCCCGGTTACGCGCATTCTCCTGCCTCAGCCT
CCCGAGTAGCTGGGACTACAGCGCGCCGCTACAGCCCGCTAATTTTTTGTATTTTT
AGTAGAGACAGGGTTTACCGTGTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCGTGATC
CACC CGCTCGGCTCCCAAGTGTGGGATACAAGCGTGAGCCACGCGCGCCGCCAA
CTGGCATTTTACTCTGCCATGCCTGCTTCTCCCATCATCCACACTGTCCACACAGT
GATTGTTCTAAATGCAAATTGCCCTTGTGTAAGCTGGCCCTGCTCCACATTGCCTT
TAATTTAAGTTCAAACCTCCCATTAGGCTCTCTGCATGGCCCTTAACCTCCAGTCTTC
TCACGATTCTTCCATCTGTCTTGAATGTACCCACAATGATTTTCCGAGATTCATGGT
AATGGACTGTGACTCTCCCCAAATCCAACTTGATATAAAGCTCTCTCCACCAGCAG
TCCCCATAAGTCAAAATGACTTTTGACCCCAAGTCTGGGTGCTGGGTGACTTTTAC
TCATTTTTCAGAAATCAGCTCAAAAGTCTCTATTTCTTAACCTCATCCCTGGCACATCAG
AAAGTTGACCTAGAGTCTCTCCATATTCTGAACCTTACCTTACACATGTGCCCATCAT
AGCATTTAATTCAGTGTTTTAAACCCGCACTAGATATATAACTATAAATACAAATTTAA
TTAAAGAAGGATCAAACGTTCAAGTATCACTGTAAGCTAATTTATACCTATATCCATT
CCCTATCCTAGGGCTGGCATGCAATAGTAAAGGCCAATAAATAGATTGTGGCATATATG
AATGAGAAATGAATATAGATCACCTTTCCAGCTATTAAGAAAGAAAGAAAGATAGGA
ACATTATTACTCTAATCTCCCATTTTTTTTTCAGGAATCACAATGTCTCTCACAATGACC
ACAATCAACACCCACCTCCGGGAACTCTCCCTAAATCCCTATGTGAAGGCCATTGAC
ATGTACCTGTAGGGGTGCTTTGTCTTCTGTTTTCATGGCCCTTCTGGAATATGCCCTAGTC
AACTACATCTTTTGGAGGGGGCCCCAACGCCAAAAGAAAGCAGCTGAGAAGGCTGCC
AGTGCCAAATGAGAAGATGCGCTGGATGTCAACAAGGTAAATTCAGAGGGCAAGCCC
TCTTGCTTCTTAACTCATGGAAGAATGTAGCAATACAGGTTGATGACCTTGTGGAGC
AAATGAGGAAACCAAGCCAGGGAAGAGAATGGTAATTTTCCCAAGCACACAAACAA
TTAATGATGGAAGCAATTAGGGACCAACTCATGACACAAGATTGGATGCCCTTTCC
ATTAACAAGAGGAGTGACCAACATGAGAAGACCTTTATGATGCTTTCTCACATATTGAG
TATAGTACCTATAATTTATTTATGCTTTTAAATTTATTCAACTAATTTTAAAGG
GAAATTTAATGTTGCTTCAGTCAGTATTACTTGTGGACAATAGCTTTACAA

Fig 1b

Replacement Sheet

SEQID No.: 16
Intron 8 Base No.



22. ACATTATTACTCTAACTCTCCCATTTTTTTTCAGGAATCACAACCTGCTCTCACAATGACC
82. ACAATCAACACCACCTCCGGGAAACTCTCCCTAAAATCCCTATGTGAAGGCCATTGAC
142. ATGTACCTGATGGGGTCTTTTGTCTTCGTTTTCATGGCCCTTCTGGAATATGCCCTAGTC
202. AACTACATCTTCTTTGGGAGGGGGCCCCAACGCCAAAAGAAAGCAGCTGAGAAGGCTGCC
262. AGTCCCAACAATGAGAAGATGCCGCTGGATGTCAACAAGGTAAATTCAGAGGGCAAGCCC
322. TCCTTGCTTCTTAACTCATGGAAGAATGCTAGCAATACAGGTGATGACCTTGTGAGC
382. AAATGAGGAAACCAAGCCCAGGGAAGAGAATGGGTAAATTTCCCAAAGCACACAAACAA
442. TTAATGATGGAAGCACAATTAGGGACCAAACTCATGACACAAGATTTGGATGCCCTTTCC
502. ATTAACAAGAGGAGTGACCAACATGAGAAGACCTTTATGATGCTTTCTACATATTGAG
562. TATAGTACCTATAATTATTTATGCACTTTTAAATTTATCAACTAAATTTATTTAAAAAG
622. GAAATTTAATGTGCTTCAGTCAGTATTACTTGCTGACAATAGCTTTACAAATATATAA
682. GTAACAAATTTAAAAAATATATCATTAAAGTTCTAATTTTACTAGATGAAGTCTCTGGC
742. CCTGAAATCTGCATTCTTTGACTTAAAGGAAGATAAGCAAGTATACAGATGTGTAC
802. AGAGCCCAAGCAACAACCTGAGACTTTTCTTTGAAGCGATCAGAAGAACATAAGAAG
862. AGTAAGGGGAAAAGACAAATAATTTTCTCCTTTAAATGACAATGCCCTGACATATACC
922. ACTTATCATTGCAAGCTTTGACTATATGAGGCCACCATCTTGCTTAAAGTCAGACATGGTC
982. AAAGATTCCCAACAACTATAAACCCCTGTTTATTGTTAAAGTCAGTAGTTTCAATCATG
1042. GGTGCCAATGGAATGACCTGAACAGATTAAAAAAAATACTGAAGCCTTGGTCCCCTCCC
1102. CAGAAAATCTGATTTGATTTTCTGGAGAAAGCATGGGCAACACAATTTAAAAAGTTCC
1162. CCAAGTTATTCTAATCTGCATCCAAATTGAGAATCACCCTTTAAGGTTTTTGATGGTA
1222. GTCCCACTAGAGCCAGCTCTCTTACTCTCAATATTTAACTTCACTGGCTTCTGTTAT
1282. AGCACTTGCTGCACTAACGAATACTGTATATGTATCTTCCAGAGGCCACATTTAGAC
1342. CTTTAGCAATAGCCAAAGAAAGTCTTATTTTCATATCTGCCCTAAATACTGTTTATGAA
1402. GTAGTGTCTAATATTGGACCAATAAATAGTTTATCATGATGGGACTAGGAAAACATTAA
1462. CAATCTCTTAAACCATTTGGAATTATTAATTATAACAAAGCTGATTATTTCTTGATG
1522. TTTTGATTTTTCTAACTTCAAATTAATTTCAAGGATAGCAAAAGTATAAATAATCTCTGCC
1582. ATTGAGTTGATTTGGAGCAAAACCATATGGAAGCTTCTAACTCAGTAATGTTTTTCACAT
1642. ATCCATAGGTCTAATATTGGTTTGTAGACTCTTCTCTAATCCAAGGCATCTCTGCTTAG
1702. AAGATGATATTGCAACAATGCAAAATTTAAGTATGGCCCTTGGAAACCAAAAACCGTA
1762. AGGGTCTAGGAAATGTCAAATTTCTCCACACCAAGGTTTTACTTATTGGAATCTGCG
1822. CAATAGATTCCAATTTACCATTATGGTTCTCTCAGGCTGTCAAATGAAAGAGTATTTCT
1882. AAACCTATTTCTGATTTTCATGACATAGTAGTCTTAGAGAAGAGAAGAAATAAATAA
1942. TAAATAAACAAACAAATAATGCTATCTCATAGGACTTCAAATGAGTCTAAATCAATTGC
2002. ATAATGAAAGGCTGACTTAATAAGATAACATCTGATCTCTTCACTTTTCACTACCTATT
2062. TTTTATACCAATTTGCATTTAAATGATAAAGTTAAGACCTAGAGGGAGGAGGTTTTATAC
2122. AAACCTGAACTGCAGAGCTTCAGATAGTTCTAAAACGGAAATAGAGAAAAGTTCACTAGG
2182. CAGTTACCCCATAGTGGTGAAGGCTTCTCTTGGTTGAAGGTAGACCCTACCATTCA
2242. AGTGATGGAATATGAGAGAACAAGGATACCAAGAGATTATTTAGTATTTTTCAGTGGT
2302. TCTCAAAACAGGGTCAATTTCTTCTCCAGAGGACATTAGGCATTGTCTGGAGACATCTT
2362. TCATTTTAAAACTATAGGATGAGGTTTACTACTGGTATCTAGTGTGTAGAGGCCAGGT
2422. TGCTGCTACACATTGGCAGTGTGCAGGATAGCTTCCCTGTAACCTTCTGTTTTCAAACA
2482. TGAGAACTGAGGTACTGAAAAATAATATCCTTGCTGTCTAATATTTCTTAGCAAAAGT
2542. TGTTCTCCATTTCTTTGAGCAGCATGTGAAGAATCAAGACATCATGAGTCATGTTTT
2602. AGAACATGGTTCTGAACAAATATTTTAGAGTCAAGTTCAATATTTACCTTCCCATTAA
2662. CAACCTGGGTGACAGTAGACAAAAAATTAGCCCTCTCTGGCCCTTTAGTTTTCTCATCTGT
2722. GAAACAGGGTAAATCTCTCTTATAAGTTACTCATGAACATAATTGTGATAATGTGCA
2782. AAGAGGTAATATAGTCCTCAATACATGGTAAGCACTCAGGAAGTGATAAATATAATAA
2842. AATATTAATAATAAAGTGGTAGGCATTATTACTTTTAAAAATAAATTTGCAGTCCC
2902. CATACTATTGGTGTAGTACGCTGTGTGTCTATATGCTCTACCATGTGGAATGCAGTA
2962. GCATCCCTAAGCAGTGATTTGTTTAGACAGGAATGTTTTATGTTAGAAGTTTAAAGTC
3022. AAATCAAGAAAATCAATTTTCAAGGGTATTAGCTATAAAATCTATAGCAAACTCACTGC
3082. ATCAAACTCTATTAATTATTTCTTAGAGCAGAAAACCTACAACCATTTTGATTAGATTA
3142. AAACAAATGCTGACCATCAAGCTTTCCAGACTCCCACTATTCTTTGTTTCAACCCAGCAT
3202. GAAAGGTTAGAGGAGGTCCACATGCTCTGATTATGCGGTGCTGTCTTTGTTGTGTCAGCA
3262. TCATGAATAATACCACCCATTTCTTATCAAGAATGTCCCTTCTTTCAACTGTAATTCT
3322. ATAGTTATTTTCTTCCAGATCAAGCACTTATAATCAGCTAAGCATTTGTTGGCTGTCT
3382. CTGGGAAAATCAGGAGTGGGATTAAATTTTTCACCTTCTTTGTTGATTTCCTAAAGATG
3442. GAAGGAGTGTGTCAGATTATCTAAAGTGATTTTGAAGTGTGCTGTCTGCTGAGGTGAGG
3502. GAGGTTGAAAACGGGAAGCCTGCCAGGTGGGAGCCAGTGTTGATTGAGCAGATGCTA
3562. CCGCATTTTCTCAGCCTCTTTTGGTATTAGCGTCTCTTAAATGTTTGTGTTTAAATAAGT
3622. GAATTTGCAGCTCTTAAATAAATCCCGTCTGTCAATTTCACTGACGTAAAGCCCTATGT
3682. GCCTAAGAAGGTGAATAGCCAAGGTACATAGCAAGCTTTTAAAGTTCTGATATGGA
3742. TTTTCTATCCTTCTCCAGTGATACATAAAGGTGTCTGGCAAAAAAATAAATAAATAA
3802. AAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
3862. TTCCAACCTCAGTTGATTTTCACTGAAAAATCCAGCTACCTGCACATGAAAGTTTATAAG
3922. CAAGTGTCACTTTACCCGTGTCTCATGTGCCAAGTTAAGTAGTAAAGTACTAAGATTT
3982. TAAAAATAAACTTTAAACCAACATGAGGTCTACTGAATATTTTCCCAAGTGTCTTTG
4042. GAGTAGTTTAAACATGATCTTTATCTAATGTCTAGGAGAGTCTTCTTATTTTCCCTTGC
4102. ATTCTCTAGTTGTCTAA
4162. TGGAAATTTGCTTTGATTGATTTTCAACCACTGTTCTTGGCCGTAGCTTCAAGTTTCAACT
4222. CCCCTTACTTCTCTTTTAAAGCTTATATGTTTCTTCTGTTTATTTTCTGCAAAATACTA
4282. AGAACACGCATATTTGAGAATCAAGTTATCTTGCTTTTACCACCGTGGTATTGTCAC
4342. ATATCAAAATGCACCTGCAGCCAACAGTTTCTAACTAAAGCTGCACCACAGAGATCTCCA
4402. TTTAAGGTTGTTCTTTATCTGCATTCTGAGGTGCTGTGACTCTTTGTTGTTCTTTATC
CTGTGTTGTAATCTTTCTAATGTAAGCCCACTAAGATATTTTCAATCAATTTATTTCT
ACTGCTTGGAAATTTGATGTTTTTAAACAAACATTTTAAAAAATCTACTCAAAATCCC
ATTCTCTGTTAGCCTTTATCTAAGGATTTCTAAGGCCAGTAGCATTTATCTATATCCA
ATTTACTTTAACCATCAGGCCTAATCTAGTAGCATCAATCGACTTAATTAGCATTCTC
TACTTTGCTTCCAGTTTCTTATAAAGATATTAAACAAATGGGACCAATATCGATCC
TTGTGGGACCTACTGGAAACCTCTCCCACTAGACGGACTACCAATTACGATTCTCT
CTGTATACGTTAGATAGCCAGTTTTAATCCATTTATTTGATTTCTGTTGGGGCCAAT

Fig 2